

Table S1 The relative abundance in the treated soil of the ten most frequently occurring bacterial and fungal phyla.

Microbe	Taxonomy	Control-2015	DZ-2015	BF-2015	Control-2016	DZ-2016	BF-2016
Bacterial	Proteobacteria	0.42±0.02a	0.30±0.01d	0.37±0.03bc	0.40±0.01ab	0.30±0.00d	0.35±0.01cd
	Gemmatimonadetes	0.02±0.00d	0.07±0.01b	0.04±0.00c	0.04±0.00cd	0.20±0.01a	0.07±0.00b
	Firmicutes	0.04±0.00c	0.19±0.01a	0.07±0.01c	0.07±0.00c	0.17±0.01a	0.12±0.01b
	Actinobacteria	0.18±0.01a	0.14±0.01b	0.14±0.01b	0.12±0.02bc	0.09±0.00c	0.12±0.01bc
	Bacteroidetes	0.11±0.01b	0.07±0.00c	0.09±0.01c	0.15±0.01a	0.08±0.00c	0.08±0.01c
	Chloroflexi	0.09±0.00b	0.08±0.00b	0.09±0.00a	0.05±0.00e	0.05±0.00d	0.07±0.00c
	Acidobacteria	0.01±0.00c	0.02±0.00b	0.03±0.01a	0.01±0.00c	0.01±0.00c	0.03±0.00ab
	Unidentified_Bacteria	0.02±0.00bc	0.02±0.00b	0.01±0.00cd	0.03±0.00a	0.01±0.00d	0.02±0.00bc
	Thaumarchaeota	0.01±0.00c	0.01±0.00c	0.01±0.00bc	0.01±0.00c	0.02±0.01ab	0.03±0.00a
	Planctomycetes	0.02±0.00b	0.02±0.00b	0.02±0.00a	0.02±0.00b	0.01±0.00c	0.02±0.00a
Fungal	Ascomycota	0.58±0.01a	0.46±0.08ab	0.38±0.02b	0.58±0.02a	0.46±0.06ab	0.45±0.01ab
	Mortierellomycota	0.04±0.01b	0.14±0.03a	0.03±0.00b	0.01±0.00b	0.01±0.00b	0.01±0.00b
	Chytridiomycota	0.14±0.04a	0.00±0.00b	0.13±0.01a	0.03±0.01b	0.00±0.00b	0.00±0.00b
	Basidiomycota	0.05±0.01a	0.03±0.00a	0.05±0.01a	0.02±0.00a	0.02±0.00a	0.06±0.01a
	Aphelidiomycota	0.00±0.00b	0.01±0.00a	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00a	0.01±0.00a
	Olpidiomycota	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a
	Rozellomycota	0.00±0.00a	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00b
	Glomeromycota	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00a	0.00±0.00b	0.00±0.00b	0.00±0.00b
	Mucoromycota	0.00±0.00c	0.00±0.00a	0.00±0.00c	0.00±0.00c	0.00±0.00c	0.00±0.00b
	Calcarisporiellomycota	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a	0.00±0.00a

Data given in the form mean ± SE. Control: no treatment, DZ: dazomet fumigation, BF: *B. subtilis* biofungicide. Different letters associated with pairs of mean values indicate significant differences ($p<0.05$) in microbial abundance between the soil treatments.