

Figure S1. Clustal Omega alignment of the nine partial *M. canis* neuraminidase gene sequences (denoted with number corresponding to patient number). Selected publicly available and annotated neuraminidase gene sequences of other *M. canis* strains were included for comparison.

Larissa	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATCTGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATCTGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
3	-----	0
UF31	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATCTGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
UF33	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATCTGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
PG14T	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATCTGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
23	-----	0
UFG4	ATGAAAAAAATTAAATAAAAAATTAGCTGTATATCGCTCTTATCAGGAGCACTTATAACA	60
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TCGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	 120
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TCGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	120
3	-----	0
UF31	ACGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	120
UF33	TCGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	120
PG14T	TCGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	120
23	-----	0
UFG4	TCGACTTCTTAGCAATATATTCTATGCAAATAGTCAAAAGATTGAGAAAAAGAAGAAG	120
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAACAT	 180
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAACAT	180
3	-----	0
UF31	AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAACAT	180
UF33	AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAACAT	180
PG14T	AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAAGAT	180
23	-----	0
UFG4	AGCAATTCACTTCTGATAGTCAAATTAAATGGTTTGAAATTAAACATCCCTGAAAAACAT	180
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AATACTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATACTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
3	-----	0
UF31	AATACTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
UF33	AATTTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
PG14T	AATACTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
23	-----	0
UFG4	AATACTTTGTTCTAACAAATAACCATAACGACTTATTGAGCAACCTGAAAAAAGT	240
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
3	-----	0
UF31	GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
UF33	GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
PG14T	GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
23	-----	0
UFG4	GATGTCAAATTTATAACTTCATTCAAAAAAGTGATGTCGATGATTCTCGTTATA	300
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 AGTTTGAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGATTACAATTGAACTTGAG	360
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AGTTTAAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGGTTACAATCGAACTCGAG	360
3	-----	0
UF31	AGTTTAAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGATTACAATCGAACTCGAG	360
UF33	AGTTTAAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGGTTACAATCGAACTCGAG	360
PG14T	AGTTTAAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGATTACAATTGAACTTGAG	360
23	-----	0
UFG4	AGTTTAAATTTGAAGGTACTAAACTTTATCAGAATCAAGATTACAATTGAACTTGAG	360
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTAAAATCAATAACGAGAACAGGAA	420
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTCGAGATCAATAACGAAAGCAAGGAA	420
3	-----	0
UF31	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTAAAATCAATAACGAAAACAAGGAA	420
UF33	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTCGAGATCAATAACGAAAGCAAGGAA	420
PG14T	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTAAAATCAATAACGAGAACAGGAA	420
23	-----	0
UFG4	GACAACAATAAAAATTCGTTTAGATAAGTTAAAATCAATAACGAGAACAGGAA	420
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 GTTGTTTGATACTAGTGATCTAACTAATAACAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	GTTGTTTGATGCTAGTGATCTAACTAATAACAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
3	-----	0
UF31	GTTGTTTGATACTAGTGATCTAACTAATAACAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
UF33	GTTGTTTGATGCTAGTGATCTAACTAATAACAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
PG14T	GTTATTTTGATACTAGTGATCTAACTAATAATAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
23	-----	0
UFG4	GTTGTTTGATACTAGTGATCTAACTAATAACAGAAAGTTCAATGTCAAGACAATTACT	480
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGCTGAGAAAATTCA	540
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGACTGAGAAAATTCA	540
3	-----	0
UF31	TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGACTGAGAAAATTCA	540
UF33	TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGACTGAGAAAATTCA	540
PG14T	TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGCTGAGAAAATTCA	540
23	-----	0
UFG4	TTAAATGATCAATTAAATTAAAAATGATAACGACATTGATGATGATGCTGAGAAAATTCA	540
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
3	-----	0
UF31	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
UF33	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
PG14T	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
23	-----	0
UFG4	TTTTCTACAATCCCATCAAATACTTTATAGTTTCGAAAACAGTAGGATTATTGAATCA	600
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
3	-----	0
UF31	AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
UF33	AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
PG14T	AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
23	-----	0
UFG4	AATGAAAATTGCCACTATTGAAATAGAGTTAAAAACTCAAGATAATATAAAAGAAATT	660
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TCAAAAAGTCAGTGTCCCTTCTGTTGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TCAAAAAGTCAGTGTCCCTTCTGTTCGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
3	-----	0
UF31	TCAAAAAGTCAGTATCCCTTCTGTTGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
UF33	TCAAAAAGTCAGTGTCCCTTCTGTTCGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
PG14T	TCAAAAAGTCAGTATCCCTTCTGTTGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
23	-----	0
UFG4	TCAAAAAGTCAGTATCCCTTCTGTTGCATACAAAAACAATAATTCTAAAAACTATCTT	720
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
3	-----	0
UF31	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
UF33	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
PG14T	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
23	-----	0
UFG4	AATATAACTGGTATTTAAATAAAAACAAGACAAATATTATAACAGCTAATTTAAAT	780
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 AATTAATACATGGAGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	 840
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATTAATACATGGGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	840
3	-----	0
UF31	AATTAATACATGGGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	840
UF33	AATTAATACATGGGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	840
PG14T	AATTAATACATGGGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	840
23	-----	0
UFG4	AATTAATACATGGGAGTCATATTTTAGAAAAGGCAAAATTATTAGTAAGCCAAA	840
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	 900
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	900
3	-----	0
UF31	GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	900
UF33	GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	900
PG14T	GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	900
23	-----	0
UFG4	GGATTGTTTATAACATCAATAACTATGAAAACGCTTTTATGACTTTAACAAATCA	900
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AATAATAAAGAACACGAATTGTAATACACACAGACTCGAAACATTATTTAAAAATAAC	960
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATAATAAAGAACATGAATTGTAATACACACAGATTCAAGAACATTATTTAAAAATAAC	960
3	-----	0
UF31	AATAATAAAGAACACGAATTGTAATACACACAGATTCAAGAACATTATTTAAAAATAAC	960
UF33	AATAATAAAGAACACGAATTGTAATACACACAGATTCAAGAACATTGTTAAAAATAAC	960
PG14T	AATAATAAAGAACACGAATTGTAATACACACAGATTCAAGAACATTGTTAAAAATAAC	960
23	-----	0
UFG4	AATAATAAAGAACACGAATTGTAATACACACAGACTCGAAACATTATTTAAAAATAAC	960
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TCTAAATTCAATTGAGGTTATTGGAGAAATGAAAAACGATCCATTGAAAATGATCAA	 1020
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TCTAAATTGAATTGAGGTTATTGGAGAAATGAAAAATGATCCATTGAAAATGATCAA	1020
3	-----	0
UF31	TCTAAATTGAATTGAGGTTATTGGAGAAATGAAAAATGATCCATTGAAAATGATCAA	1020
UF33	TCTAAATTGAATTGAGGTTATTGGTGAATGAAAAGCGATCCATTGAAAATGATCAA	1020
PG14T	TCTAAATTGAATTGAGGTTATTGGTGAATGAAAAGCGATCCATTGAAAATGATCAA	1020
23	-----	0
UFG4	TCTAAATTGAATTGAGGTTATTGGAGAAATGAAAAATGATCCATTGAAAATGATCAA	1020
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTAGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	 1080
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTAGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	1080
3	-----	0
UF31	AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTAGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	1080
UF33	AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTAGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	1080
PG14T	AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTGGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	1080
23	-----	0
UFG4	AATGAAATTAAATATCACTTAAGTGGTGTGTTAGATAAAAGAAAAATTGATTTTCT	1080
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AAAATTAACGAAAATCTAAGACTAAAATTCTAAAGTCGGTAGTGAAGAACTGATGTT	1140
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AAAATTAATGAAAATCTAAAACAAAAATTCTAAAGTCGGTAGTGAAGAACTGATGTT	1140
3	-----	0
UF31	AAAATTAATGAAAATCTAAAACAAAAATTCTAAAGTCGGTAGCGAAGAACTGATGTT	1140
UF33	AAAATTAATGAAAATCTAAAACAAAAATTCTAAAGTCGGTAGCGAAGAACTGATGTT	1140
PG14T	AAAATTAATGAAAATCTAAAACAAAAATTCTAAAGTCGGTAGCGAAGAACTGATGTT	1140
23	-----	0
UFG4	AAAATTAATGAAAATCTAAAACAAAAATTCTAAAGTCGGTAGTGAAGAACTGATGTT	1140
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAACCTTCTTTGAGATTGAAAAT	 1200
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAACCTTCTTTGAGATCGAAAAT	1200
3	-----	0
UF31	TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAACCTTCTTTGAGATCGAAAAT	1200
UF33	TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAACCTTCTTTGAGATCGAAAAT	1200
PG14T	TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAGCTTCTTTGAGATAGAAAAT	1200
23	-----	0
UFG4	TACGCCTAAAAATAAGTTATGACCCAAATGAAAATAAACCTTCTTTAAGATTGAAAAT	1200
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	 1260
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	1260
3	-----	0
UF31	TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	1260
UF33	TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	1260
PG14T	TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	1260
23	-----	0
UFG4	TCAAATAGTGGTGACCAATTATATTAAAAGAAATACAAGTAAAAAATAATGAAACAGAA	1260
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
3	-----	0
UF31	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
UF33	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
PG14T	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
23	-----	0
UFG4	CAGTTTGAGAACCTAGATATAACTAATGTTGATAAAAAACTAATTATTGAATATCCGATT	1320
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTGATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCG	1380
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTAATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCG	1380
3	-----	0
UF31	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTGATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCG	1380
UF33	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTGATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCG	1380
PG14T	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTGATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCG	1380
23	-----	0
UFG4	TCTAAATCGCTTGAAGTTGATTTGATAAATTCAAGATCATGAGAGTCTCTTTATACCGA	1380
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATGATGAAAAAATCGAAAAG	1440
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATGATGAAAAAATCGAAAAG	1440
3	-----	0
UF31	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATGATGAAAAAATCGAAAAG	1440
UF33	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATGATGAAAAAATCGAAAAG	1440
PG14T	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATGATGAAAAAATCGAAAAG	1440
23	-----	0
UFG4	AGTTACGTATTTATTAATTTAAAATTAAAAATAATTGAAATAATGAAAAAATCGAAAAA	1440
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	TTACTTGATCAATTAAACGAAAGATGATTATTCGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	TTACTTGATCAATTAAACAAAAATGATTATTCAGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
3	-----	0
UF31	TTACTTGATCAATTAAACGAAAGATGATTATTCGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
UF33	TTACTTGATCAATTAAACGAAAGATGATTATTCGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
PG14T	TTACTTGATCAATTAAACGAAAGATGATTATTCGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
23	-----	0
UFG4	CTACTTGATCAATTAAACAAAAATGATTATTCGAATCCAAAAGAATTCAATAAAGAAT	1500
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 GTTCTAGCAAATATTATTATGATAATTATAAGAAAATAGTTAAGAATAATAATGTTGAT	 1560
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	GTTCTTGCAAATATTATTATGACAATTATAAGAAAATAGTTAAAATAATAACATTGAT	1560
3	-----	0
UF31	GTTCTAGCAAATATTATTATGATAATTATAAGAAAATAGTTAAAATAATAATGTTGAT	1560
UF33	GTTCTAGCAAATATTATTATGATAATTATAAGAAAATAGTTAAGAATAATAATGTTGAT	1560
PG14T	GTTCTAGCAAATATTATTATGATAATTATAAGAAAATAGTTAAGAATAATAATGTTGAT	1560
23	-----	0
UFG4	ATTCTCGCAAATATTATTATGACAATTATAAGAAAATAGTTAAAATAATAACATTGAT	1560
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAGCTGATGATAGCAACTTTAT	 1620
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAAGCTGATGATAGCAACTTTAT	1620
3	-----	0
UF31	ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAGCTGATGATAGCAACTTTAT	1620
UF33	ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAGCTGATGATAGCAACTTTAT	1620
PG14T	ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAGCTGATGATAGCAACTTTAT	1620
23	-----	0
UFG4	ATTGATAATAAAATAATAATTTAAGACTTTCTGACCCAAGCTGATGATAGCAACTTTAT	1620
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
3	-----	0
UF31	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
UF33	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
PG14T	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
23	-----	0
UFG4	AGTCAAGATAATAATTTTTATTCCCTATTAATGAAACTAACAAACATTCAAAAT	1680
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAACACAATTCTATTCA	1740
16	-----	0
10	-----	0
UFG1	ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAACACAATTCTATTCA	1740
3	-----	0
UF31	ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAACACAATTCTATTCA	1740
UF33	ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAATACAATTCTATTCA	1740
PG14T	ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAACACAATTCTATTCA	1740
23	-----	0
UFG4	ACTAAAGATATTGACGAAAAATGAGATATAGTCATAATAGCAACACAATTCTATTCA	1740
22	-----	0
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0
 Larissa	 ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
16	-----	0
10	-----	17
UFG1	ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
3	-----	0
UF31	ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
UF33	ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
PG14T	ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
23	-----	0
UFG4	ATGATTAAAAATCCATTATAAGCAACAACAGAAATGGAACAGCAATTGAAAATGATCAC	1800
22	-----	24
13	-----	0
19	-----	0
5	-----	0
6	-----	0

Larissa	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	1860
16	-----	0
10	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	77
UFG1	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCGCAC	1860
3	-----GTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	41
UF31	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	1860
UF33	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	1860
PG14T	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	1860
23	-----TAGCGAGACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	40
UFG4	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	1860
22	TTTAAAATAAAAAGACTAAGTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	84
13	-----GTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	41
19	-----TAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	40
5	-----TAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	40
6	-----GTAGCGAACATTATTGCTCACACGAAGACGGATCACAC	41

RIP motif

Larissa	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	1920
16	-----	0
10	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	137
UFG1	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAC	1920
3	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	101
UF31	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	1920
UF33	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	1920
PG14T	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	1920
23	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	100
UFG4	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	1920
22	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	144
13	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	101
19	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	100
5	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	100
6	TCA TATCGTATCCCAAATGTTACTAACTTAAAACGGAAAAATCCTAGCGTTGTGGAT	101

Larissa	AAAAGAGCAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	1980
16	-----	0
10	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	197
UFG1	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	1980
3	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	161
UF31	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAACA	1980
UF33	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	1980
PG14T	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	1980
23	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	160
UFG4	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	1980
22	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	204
13	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	161
19	AAAAGAGTAGAAAACATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	160
5	AAAAGAGTAGAAAATATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	160
6	AAAAGAGTAGAAAATATTAGTGACTATAAACTCAATTTCACAAGTTTTAAAGAATCA	161

Larissa	TTAGATGGTGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAAATAGCTGTTCCGAAG	2040
16	-----	0
10	TTAGATGGTGGAAAAACTTGAAGTCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	257
UFG1	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	2040
3	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCGAAG	221
UF31	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	2040
UF33	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	2040
PG14T	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	2040
23	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	220
UFG4	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	2040
22	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	264
13	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	221
19	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	220
5	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	220
6	TTAGATGGCGGAAAAACTTGAAGCCAAAATAAGAAATCTTAAAATAGCTGTTCCAAAG	221

Larissa	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAAGTTGAGTATTTGATGAA	2100
16	-----	0
10	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	317
UFG1	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	2100
3	AAAAACAATCGCGGTAGCTATAGACGGTATAATAACAGAAGTTGAGTATTTGATGAA	281
UF31	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	2100
UF33	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	2100
PG14T	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	2100
23	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	280
UFG4	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	2100
22	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	324
13	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	281
19	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	280
5	AAAAACAATCGTGGTATAGCTATAGATGGTATAATAACAGAATTGAGTATTTGATGAA	280
6	AAAAACAATCGCGGTAGCTATAGATGGTATAATAACAGAAGTTGAGTATTTGATGAA	281

Larissa	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
16	-----	0
10	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	377
UFG1	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
3	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	341
UF31	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
UF33	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
PG14T	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
23	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	340
UFG4	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	2160
22	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	384
13	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	341
19	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	340
5	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	340
6	GAAACACAAACTAATAAAACAAAGCTTCATTTATTGTTGATATTTTCCAGGAACAAAT	341

Larissa	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAATCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
16	-----TTAT	4
10	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	437
UFG1	ACTGGTGTCCACATTATCATCAGGTAAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
3	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	401
UF31	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
UF33	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
PG14T	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
23	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	400
UFG4	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	2220
22	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	444
13	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	401
19	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	400
5	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	400
6	ACTGGTGTCCACATTATCATCGGGTAACCCATGATTCTATAGGTGATCAAGGTTAT	401

Larissa	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
16	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTGTAGATCATCAGTATTA	64
10	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCCAGATCATCAGTATTA	497
UFG1	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
3	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	461
UF31	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
UF33	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
PG14T	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
23	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	460
UFG4	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	2280
22	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	504
13	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	461
19	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	460
5	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	460
6	CTAAAAATGTGGACAAAATTAAACAGAAATAATTTGATTCTAGATCATCAGTATTA	461
	*****	*****

Larissa	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
16	AAGCGTATAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	124
10	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	557
UFG1	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
3	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	521
UF31	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
UF33	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
PG14T	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
23	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	520
UFG4	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	2340
22	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	564
13	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	521
19	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	520
5	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	520
6	AAGCGTGTAGAAGGAAGAGGAATTGATTAGAAGATATACTACCAGCTGGTGTTC	521
	*****	*****

Larissa	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
16	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	184
10	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	617
UFG1	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
3	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	581
UF31	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
UF33	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
PG14T	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
23	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	580
UFG4	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	2400
22	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	624
13	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	581
19	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	580
5	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	580
6	TTTAACAATAATTCACAGCAAGCACACAACCTAGAAGAAACAAATACATATGTGGATATG	581

Larissa	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
16	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	244
10	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	677
UFG1	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
3	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	641
UF31	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
UF33	AATTATCATCAAGATAACAAACAAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
PG14T	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
23	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	640
UFG4	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	2460
22	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	684
13	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	641
19	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	640
5	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	640
6	AATTATCATCAAGATAACAAATCAATTCTGGTAGAGTATATGAAAATGTCATGGAATCA	641

Larissa	GATTTTGATGATCCAGCAGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
16	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	304
10	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	737
UFG1	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
3	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	701
UF31	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
UF33	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
PG14T	GATTTTGATGATCCAATGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
23	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	700
UFG4	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	2520
22	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	744
13	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	701
19	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	700
5	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	700
6	GATTTTGATGATCCAGCGGCATTAGATTCTAAAAAAACTGAGCACAGTGTGATGAA	701

Larissa	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
16	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	364
10	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCAGCT	797
UFG1	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
3	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	761
UF31	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
UF33	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
PG14T	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
23	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCAGCT	760
UFG4	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	2580
22	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	804
13	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	761
19	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	760
5	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	760
6	CCAAGAAAAGTTACAAACGTAAACAATAATACATTGAACCCTTAAGAAATGAGCATGCT	761

Asp box motif

Larissa	GTATATGCCTTAGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
16	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	424
10	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	857
UFG1	GTATATGCCTTAGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
3	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	821
UF31	GTATATGCCTTAGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
UF33	GTATATGCCTTAGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
PG14T	GTATATGCCTTAGCCATAAAATAGGCCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
23	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	820
UFG4	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	2640
22	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	864
13	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	821
19	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	820
5	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	820
6	GTATATGCCTGGCCATAAAATAGTCACCTTGCAGCTAGAAAGTTATGATGAAGGTAGA	821

Larissa	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTATCAAGACATAGAAATAATCATAAG	2700
16	ACATGAACTAACCTAAATGGATTGATGAAAAACTCTCAAGAGATAG-----	471
10	ACATGAACTAACCTACAATGAATCGATGAAAAACTCTCAAGACATAG-----	904
UFG1	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTATCAAGACATAGAAATAATCATAAG	2700
3	ACATGAACTAACCTACAATGGATTGATGAAAAACTCTCAAGACAT-----	866
UF31	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTATCAAAACATAGAAATAATCATAAG	2700
UF33	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTATCAAAACATAGAAATAATCATAAG	2700
PG14T	ACATGAACTAACCTACAATGGATTGATGAAAAACTTCAAGACATAGAAATAATCATAAG	2700
23	ACATGAACTAACCTACAATGGATTGATGAAAAACTTCAAGAGATAG-----	867
UFG4	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTCTCAAGAGATAGAAATAATCATAAG	2700
22	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTCTCAAGAGATAGAAATAATCATAAG	924
13	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTCTCAAGACAT-----	866
19	ACATGAACTAACCTACAATGGATCGATGAAAAACTCTCAAGAC-----	863
5	ACATGAACTAACCTACAATGGATTGACGAAAAACTTCAAGACATAG-----	867
6	ACATGAACTAACCTACAATGGATTGACGAAAAACTTCAAGACATAGAAATAATC-----	876

Larissa	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAAGCAAATGCTTCTATA	2760
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAACAAATGCTTCTATA	2760
3	-----	866
UF31	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAAGCAAATGCTTCTATA	2760
UF33	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAACAAATGCTTCTATA	2760
PG14T	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAAGCAAATGCTTCTATA	2760
23	-----	867
UFG4	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAACCTAAACACCCAAGCAAATGCTTCTATA	2760
22	TTTGTAGGTACTGGGGTAGGAAACCGGAATACAA-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCATTATATGTTTTC	2820
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCACCATATGTTTTC	2820
3	-----	866
UF31	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCATTATATGTTTTC	2820
UF33	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCATTATATGTTTTC	2820
PG14T	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCATTATATGTTTTC	2820
23	-----	867
UFG4	AATGGTAGAGTAATTATACCTATGTACTCTATGAATAACAATGATCATTATATGTTTTC	2820
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	ATATATAGCGATGATAAAGGAAAAACATGAACCAAATACACACCTAATGGATTAAAACC	2880
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	ATATACAGCGATGATAAAGGGAAAACATGAACCAAATACACGCCTACCGGATTAAAGCC	2880
3	-----	866
UF31	ATATATAGCGATGATAAAGGAAAAACATGAACCAAATACACACCTACTGGATTAAAACC	2880
UF33	ATATATAGCGATGATAAAGGAAAAATATGAACCAAATACACACCTACTGGATTAAAACT	2880
PG14T	ATATATAGCGATGATAAAGGAAAACATGAACCAAATACACACCTAATGGATTAAAACC	2880
23	-----	867
UFG4	ATATATAGCGATGATAAAGGAAAACATGAATCAAATACACACCTACTGGATTAAAACT	2880
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	AACCTATCTGAATCATCTTTGTTGAAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	AACTTATCTGAATCATCTTTGCCAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
3	-----	866
UF31	AACCTATCTGAATCATCTTTGTCGAAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
UF33	AACCTATCTGAATCATCTTTGTCGAAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
PG14T	AACCTATCTGAATCATCTTTGTTGAAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
23	-----	867
UFG4	AACCTATCTGAATCATCTTTGTCGAAACAGAACGGTACTTATATTGATTGCAAGA	2940
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	CATACAGGTAGTTTGACAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGTACAGATGGT	3000
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	CATACAGGTAGTTTGACAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGTACAGATGGT	3000
3	-----	866
UF31	CATACAGGTAGTTTGACAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGTACAGATGGT	3000
UF33	CATACAGGCCGTTTGGCAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGTACAGATGGT	3000
PG14T	CATACAGGTAGTTTGACAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGTACAGATGGT	3000
23	-----	867
UFG4	CATACAGGCCGTTTGGCAAAATACATTAGAACATTATTCAAAAAGCACAGATGGT	3000
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACACATCTAGAAAAGGTAAAGATATGCAAATT	3060
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACGCATCTAGAAAAGGTAAAGATATGCAAATT	3060
3	-----	866
UF31	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACGCATCTAGAAAAGGGAAAGATATGCAAATT	3060
UF33	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACGCATCTAGAAAAGGTAAAGATATGCAAATT	3060
PG14T	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACACATCTAGAAAAGGTAAAGATATGCAAATT	3060
23	-----	867
UFG4	GGTATGACTTGAAGCAGTCCTGATAATGACGCATCTAGAAAAGGTAAAGATATGCAAATT	3060
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	GGTAATCCTTACGATGCAAATATTTTCAGGTATTGATCACTTAGATGGAAAAATAAA	3120
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	GGTAATCCTTACGATGCAAATATTTTCAGGTATTGATCACTTAGATGGAAAAATAAA	3120
3	-----	866
UF31	GGCAATCCTTACGATGGAAATATTTTCAGGAATCTCATATTTAAATGAAAAAATAAA	3120
UF33	GGCAATCCTTACGATGCAAATATTTTCAGGTATTGATCACTTAGATGGAAAAATAAA	3120
PG14T	GGTAATCCTTACGATGCAAATATTTTCAGGTATTGATCACTTAGATGGAAAAATAAA	3120
23	-----	867
UFG4	GGCAATCCTTACGATGCAAATATTTTCAGGTATTGATCACTTAGATGGAAAAATAAA	3120
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	GATTATTTATTTCTCTCTTCAAAATCTGCAGTCAGAAGAAATGGTTATTTATTTATA	3180
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	GATTATTTATTTCTCTCTTCAAAATCTGCGTTAGAAGAAATGGTTCTTATTTATA	3180
3	-----	866
UF31	GATTATTTTATTCTCTCTTCAAAATCTGTAGTTAGAAGAAATGGTTCTTATTTATA	3180
UF33	GATTATTTTATTCTCTCTTCAAAATCTGTAGTTAGAAGAAATGGTTCTTATTTATA	3180
PG14T	GATTATTTTATTCTCTCTTCAAAATCTGCAGTCAGAAGAAATGGTTATTTATTTATA	3180
23	-----	867
UFG4	GATTATTTTATTCTCTCTTCAAAATCTGCAGTCAGAAGAAATGGTTCTTATTTATG	3180
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
3	-----	866
UF31	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
UF33	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
PG14T	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
23	-----	867
UFG4	GCAGATGCAACATTGAGAATATTGTTGAECTATTTAGGTATGATGATAATCAAAGAGAG	3240
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	CATTTGCTTATAGCTATGCGCTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	CATTTGCTTATAGCTATGCACTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
3	-----	866
UF31	CATTTGCTTATAGCTATGCACTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
UF33	CATTTGTTATAGCTATGCACTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
PG14T	CATTTGCTTATAGCTATGCGCTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
23	-----	867
UFG4	CATTTGCTTATAGCTATGCACTTGTACTAATAAACAGAAAACATATAGATTTATT	3300
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTATAGATGGTGGATTGATAACTCTAGA	3360
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTAGATGGCGGTTGATAACTCTAGA	3360
3	-----	866
UF31	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTATAGATGGCGGATTGATAATTCTAGA	3360
UF33	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTATAGATGGCGGATTGATAATTCTAGA	3360
PG14T	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTATAGATGGTGGATTGATAACTCTAGA	3360
23	-----	867
UFG4	AGTATTTATGAAGCTTCTGAAAGGTTAAAATTAGATGGCGGTTGATAACTCTAGA	3360
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

Larissa	CCAAAAGGTGGAGAAATCCAATTAGACAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
16	-----	471
10	-----	904
UFG1	CCACAAGGTGGAGAAATTCACTAGTTAGATAAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
3	-----	866
UF31	CCACAAGGTGGAGAAATTCACTAGTTAGATAAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
UF33	CCACAAGGTGGAGAAATTCACTAGTTAGATAAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
PG14T	CCAAAAGGTGGAGAAATCCAATTAGACAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
23	-----	867
UFG4	CCACAAGGTGGAGAAATTCACTAGTTAGATAAAATTAGATTATGAATTAAAGATTAA	3414
22	-----	957
13	-----	866
19	-----	863
5	-----	867
6	-----	876

The neuraminidase partial nucleotide sequences are also available in GenBank under accession numbers PP430513 (patient 3), PP430514 (patient 5), PP430515 (patient 6), PP430516 (patient 10), PP430517 (patient 13), PP430518 (patient 16), PP430519 (patient 19), PP430520 (patient 22), PP430521 (patient 23).